• 临床研究 •

Hpa 和 VEGF-C 在大肠癌中的表达及意义

甄运寰,颜登国,张汝一 (贵阳医学院附属医院肛肠外科,贵阳 550004)

摘 要:目的 探讨大肠癌组织中乙酰肝素酶(Hpa)和血管内皮生长因子-C(VEGF-C)的表达与大肠癌发生、浸润转移及预后的关系。方法 采用免疫组织化学 Envison 法,对大肠癌的癌组织与正常组织中 Hpa 和 VEGF-C 表达水平进行测定,结合大肠癌的临床病理学特征及预后进行分析。结果 Hpa 和 VEGF-C 在大肠癌组织、正常组织中表达水平比较,差异有统计学意义 (P<0.01)。Hpa 和 VEGF-C 在大肠癌无淋巴结转移与淋巴结转移组,在大肠癌 I、II 和 III、III 期组织中及生存 5 年以下组和生存 5 年和(或)5 年以上组表达率比较,差异有统计学意义(P<0.01)。结论 Hpa 和 VEGF-C 在大肠癌组织中的高表达,在有转移(淋巴转移及远处转移)组高表达,说明 Hpa 和 VEGF-C 可能在大肠癌的发生、侵袭和转移中起作用。

关键词:肠肿瘤;Hpa;VEGF-C;免疫化学;肿瘤浸润;肿瘤转移

doi:10.3969/j.issn.1671-8348.2012.30.014

文献标识码:A

文章编号:1671-8348(2012)30-3164-03

The expression of heparanase and vascular endothelial growth factor-C(VEGF-C) in colorectal carcer

Zhen Yunhuan, Yan Dengguo, Zhang Ruyi

(Department of Surgery, Affiliated Hospital of Guiyang Medical College, Guiyang, Guizhou 550004, China)

Abstract:Objective To explore the relationship between heparanase(Hpa), vascular endothelial growth factor-C(VEGF-C) and tumorigenesis, invasion, metastasis, prognosis of colorectal cancer. **Methods** The Hpa and VEGF-C in colorectal cancer were cheched by immunochemical method and analysis the relation between the results and the clinicopathologic characteristics of colorectal cancer. **Results** The positive rate of heparanasis and VEGF-C expression were differences in statisticals in tumor and normal tissues of colorectal cancer, in tumor tissues without and with lympy node metastasis, I - \blacksquare and \blacksquare - \blacksquare stages patients respectively, in patients existing < 5-years and \ge 5-years(P<0.01). **Conclusion** The high expression of Hpa and VEGF-C in tumor tissue and with metastasis of colorectal cancer, means that it may play an important role in tumorigenesis, invasion and metastasis of colorectal cancer.

Key words:intestinal neoplasms;heparanase;vascular endothelial growth factor-c;immunochemisty;neopalsms invasiveness;neoplasms metastasis

大肠癌是消化道常见的恶性肿瘤。目前,手术切除仍是治疗大肠癌的主要措施。但术后 5 年生存率仍较低 50%~60%的患者死于肿瘤的复发和转移 3 引起肿瘤复发和转移的主要原因是肿瘤具有侵袭和转移性。肿瘤的侵袭转移是肿瘤细胞与宿主细胞之间一系列复杂的、多步骤、多因素相互作用的动态过程,主要包括肿瘤细胞与细胞外基质黏附、贴近肿瘤细胞的基质降解、肿瘤细胞在趋化因子的作用下向纵深方向移动和肿瘤淋巴管生成等。乙酰肝素酶(hparanase, Hpa)能降解细胞外基质(ECM)和基底膜(BM)组成的屏障,从而促进肿瘤的侵袭及转移 6 而血管内皮生长因子-C(vascular endothelial growth factor-C, VEGF-C)诱导在肿瘤外周形成新的淋巴管 5,使肿瘤细胞从新生淋巴管进入淋巴结,发生淋巴结转移 6 使 6 点 使 4 通过免疫组织化学检测大肠癌组织中 Hpa 和 VEGF-C 蛋白的表达,探讨其与大肠癌侵袭和转移的关系。

1 资料与方法

1.1 一般资料 收集贵阳医学院附属医院肛肠外科 1994~1999 年收治的 40 例术前未经放化疗,术后肿瘤组织石蜡块仍保存完好的大肠癌病例。其中,男 19 例,女 21 例。年龄 25~77 岁,平均 55.7 岁。结肠癌 11 例,直肠癌 29 例。40 例均为腺癌,高分化 9 例,中分化 25 例,未分化及低分化 6 例。浸润

深度在浆膜层以内 16 例,浸润深度达到或超过浆膜层 24 例。有淋巴结转移 14 例,无淋巴结转移 26 例。临床分期:按国际抗癌联盟(union international control cancer, UICC)提出的TNM分期法,Ⅰ期 11 例、Ⅱ期 13 例、Ⅲ11 例、Ⅳ5 例。40 例患者 35 例行根治性切除,5 例行姑息性切除。正常组织来源于大肠腺瘤切除的大体标本中。

- 1.2 试剂与方法 对大肠正常组织及大肠癌组织进行普通HE染色,确定所有切片中均存在所需组织。免疫组织化学染色采用 Envision 两步法,兔抗人 Hpa 单克隆抗体购于武汉博士德生物工程有限公司;兔抗人 VEGF-C 多克隆抗体,购于北京中杉金桥生物技术有限公司。免疫组织化学通用型PV9000 试剂盒和二氨基联苯胺(DAB)显色试剂盒购于北京中杉金桥生物技术有限公司。操作按说明书进行。
- 1.3 结果判断 由 2 位病理专家单独阅片,结果再综合分析确定。Hpa 和 VEGF-C 染色阳性信号为胞浆呈清晰棕黄色颗粒。每张切片在 400 倍显微镜下选定 10 个视野计算阳性细胞的百分数。表达强度判断,阴性(一):全部肿瘤细胞无显色或胞浆染色阳性的细胞数小于 5%;(+):阳性细胞 $5\%\sim24\%$;(++):阳性细胞 $25\%\sim50\%$;(+++):阳性细胞大于 50%。
- 1.4 随访 随访时间 11 个月至 6 年。术后经书信随访到 38

例,失访 2 例,随访率为 95%。生存 5 年以下者 23 例,生存 5 年或以上者 15 例。

1.5 统计学处理 采用 SPSS11.5 统计软件包处理,采用 χ^2 检验,以 P<0.05 为差异有统计学意义。

2 结 果

2.1 Hpa 和 VEGF-C 表达比较 大肠癌组织中 Hpa 和 VEGF-C 的阳性表达率明显高于大肠正常组织中的表达率 (P<0.01),见表 1,封 2 图 $1\sim2$ 。

表 1 Hpa 与 VEGF-C 在大肠癌组织及正常组织中的表达

类别	n-	Hpa				阳性率	VEGF-C			阳性率	
尖別		_	+	++-	+++	(%)	_	+	++	+++	(%)
正常组织	15	14	1	0	0	6. 67	13	1	1	0	13. 33
大肠癌组织	40	20	15	3	2	50.00	13	15	10	2	67.50

2.2 Hpa 和 VEGF-C 在大肠癌中的表达与临床病理特征的 关系 Hpa 和 VEGF-C 在性别、年龄、肿物大小、肿物位置及 浸润深度方面的阳性表达比较,差异无统计学意义(P>0.05);在有无淋巴转移、Ⅲ、Ⅳ期与 TNM I、Ⅱ、生存期小于 5年与大于或等于 5年的阳性率比较,差异有统计学意义(P<0.01),见表 2。

表 2 Hpa 和 VEGF-C 在大肠癌中的表达和临床 病理特征的关系

神圣节 正日								
-Æ.D		Нра		阳性率	VEGF-C		阳性率	
项目	n	_	+	(%)	_	+	(%)	P
分化程度								
高-中分化	34	18	14	44.06	12	22	64.71	>0.05
低-未分化	6	2	4	66.67	1	5	83. 33	
浸润深度								
未达浆膜层	16	11	5	31.25	6	10	62.50	>0.05
达/超过浆膜层	24	9	15	62.50	7	17	70.83	
淋巴转移								
有	14	2	12	85.71	1	13	92.86	<0.01
无	26	18	8	30.77	12	14	53.85	
临床 TNM 分期								
I~Ⅱ期	24	18	6	25.00	12	12	50.00	<0.01
Ⅲ~Ⅳ期	16	2	14	87.50	1	15	93.75	
生存时间								
<5年	23	6	17	73.91	2	21	91.30	<0.01
≥5年	15	12	3	20.00	10	5	33. 33	

表 3 Hpa 和 VEGF-C 的表达在大肠癌中的相关性

Hpa 表达	VEGF-C 表达				
пра & と	_	+			
_	10	10			
+	3	17			

2.3 Hpa 和 VEGF-C 的表达在大肠癌中的相关性 Hpa 和

VEGF-C 在大肠癌中的表达呈正相关,相关系数为 0.570,*P* < 0.01,见表 3。

3 讨 论

3.1 Hpa 和 VEGF-C 的表达与大肠癌发生、发展 侵袭和转 移是恶性肿瘤的最重要特征,是影响肿瘤治愈率的主要因素。 大多数学者研究发现, Hpa 在肿瘤的侵袭及转移中发挥重要 作用[9]。硫酸乙酰肝素(HS)是 ECM 和 BM 组成的屏障中的 主要成分。Hpa 是体内惟一能降解 HS 的酶,使 ECM 和 BM 组成的屏障受到破坏,是肿瘤的侵袭转移中的一个关键酶。 Hpa 可以释放和激活结合在 HS上的碱性成纤维细胞生长因 子(bFGF),bFGF能促进肿瘤细胞、内皮细胞和成纤维细胞增 生迁移从而诱导肿瘤血管生成和使血管的通透性增强,促使肿 瘤细胞的侵入血管和远处种植。许多研究已证实, Hpa 在许多 高转移恶性肿瘤细胞中表达水平很高[10-11]。VEGF-C 属血管 内皮生长因子和血小板生长因子家族,主要与分布在淋巴管内 皮细胞上的 VEGFR-3 受体结合,诱导在肿瘤外周形成新的淋 巴管,并使新的淋巴管与已存淋巴管融合,是肿瘤细胞从新生 淋巴管进入淋巴结,发生淋巴结转移,通过淋巴系统向全身其 他器官扩散[12]。VEGF-C 与分布于血管内皮细胞上的受体 VEGFR-2 结合,促进肿瘤血管增生,诱导新生血管形成,从而 促进肿瘤细胞的血行转移。许多研究中 VEGF-C 高表达的患 者生存时间和生存率明显降低[13-14]。本实验结果显示,大肠 癌患者中 Hpa、VEGF-C 的表达明显高于正常组织,大肠癌有 淋巴转移、Ⅲ~Ⅳ期、生存时间小于5年者 Hpa、VEGF-C 的表 者,这与许多研究相一致。

3.2 Hpa 和 VEGF-C 在大肠癌的临床病理学特征中的表达本实验中 Hpa 和 VEGF-C 的表达与患者性别、年龄、肿物大小、肿物位置、肿瘤浸润深度和肿瘤的分化程度均无关(P>0.05)。这与临床上肿瘤的浸润和转移与性别、年龄、肿物大小、肿物位置无关相吻合。临床上大肠癌肿瘤浸润的深度、肿瘤分化程度与肿瘤转移有一定的相关性,浸润深度越深、肿瘤分化程度越差,发生转移的可能性越高,这与临床上分化程度与肿瘤转移有关的观点相矛盾,这可能说明肿瘤发生与转移是较复杂的,是受多种因素影响的。 Hpa 和 VEGF-C 在有淋巴结转移组明显高于无淋巴结转移组,这提示 Hpa 和 VEGF-C 表达与大肠癌组织的淋巴结转移组,这提示 Hpa 和 VEGF-C 表达与大肠癌组织的淋巴结转移密切相关。这可能与 Hpa 促进肿瘤血管生成及增加血管通透性,而 VEGF-C 能诱导肿瘤外周形成新的淋巴管和新的血管,从而使肿瘤细胞可通过淋巴-静脉连接进入淋巴管或直接侵入与血管伴行的淋巴管,促进淋巴转移有关。

- 3.3 Hpa和 VEGF-C 在大肠癌中的相关性 Hpa和 VEGF-C 在大肠癌中的表达呈正相关,相关系数为 0.570, P<0.01,说明 Hpa和 VEGF-C 在大肠癌的发生、发展过程中发挥了重要作用,功能上可能具有互补性, Hpa能破坏 ECM 和 BM 组成的屏障,使肿瘤发生侵袭, VEGF-C 使肿瘤所在位置形成淋巴管,使侵袭的肿瘤发生淋巴结转移成为可能。二者均能诱导新生血管形成,促进肿瘤发生血行转移。说明两者在肿瘤的发生、浸润及转移过程中相互促进、关系密切。
- 3.4 Hpa和 VEGF-C 与大肠癌分期及预后的关系 临床上

Ⅲ、Ⅳ期的大肠癌患者 5 年生存率明显低于 I、Ⅱ 患者^{□15]},Hpa 和 VEGF-C 在Ⅲ、Ⅳ期大肠癌患者的阳性表达率明显高于 TNM I、Ⅱ期;在生存期小于 5 年大肠癌中的阳性表达率明显高于大于等于 5 年组(P<0.01)。提示 Hpa 和 VEGF-C 高表达的大肠癌患者肿瘤细胞侵袭和转移的能力越强,预后越差。

参考文献:

- [1] 刘宝善. 大肠肛门肿瘤学[M]. 成都:四川科学技术出版 社,2002:8-14.
- [2] Van Cutsem E, Nordlinger B, Adam R, et al. Towards a pan-european consensus on the treatment of patients with colorectal liver metastases [J]. Eur J Cancer, 2006, 42 (17), 2212-2221.
- [3] Yoo PS, Lopez-Soler RI, Hulett MD, et al. Liver resection for mstastatic colorection cancer in the age of neoadjuvant chemotherapy and bevacizumab[J]. Clin Colorectal Cancer, 2006, 6(2): 202-207.
- [4] Freeman C, Handorf BJ, Baker RT, et al. Cloning of mammalian heparanase, an important enzyme in tumor invasion and metastasis[J]. Nat Med, 1999, 5(7):803-809.
- [5] Jeltsch M, Kaipainen A, Joukov V, et al. Hyperplasia of lymphatic vessels in VEGF-C transgenic mice [J]. Science, 1997, 276(10):1423-1425.
- [6] Kinoshita J, Kitamura K, Kabashima A, et al. Clinical significance of vascular endothelial growth factor-C(VEGF-C) in breast cancer breast[J]. Cancer Res Treat, 2001, 66 (2);159-164.
- [7] Kawakami M, Furuhata T, Kimura Y, et al. Quantification of vascular endothelial growth factor-C and its receptor-3 messenger RNA with real-time quantitative polymerase chain reaction as a predictor of lymph node metastasis in human colorectal cancer[J]. Surgery, 2003, 133 (3): 300-

308

- [8] Nakashima T, Kondoh S, Kitoh H, et al. Vascular endothelial growth factor-c in human gallbladder cancer and its relationship to lymph node metastasis[J]. Int J Mol Med, 2003,11(1):33-39.
- [9] Eccles SA. Heparanase; breaking down barriers in tumors [J]. Nat Med, 1999, 5(7): 735-736.
- [10] El-Assal ON, Yamanoi A, Ono T, et al. The clinicopathological significance of heparanase and basic fibroblast growth factor expressions in hepatocellular carcinoma [J]. Clin Cancer Res, 2001, 7(11):1299-1305.
- [11] Elkin M, Cohen I, Zcharia E, et al. Regulation of heparanase gene expression by estrogen in breast cancer [J]. Cancer Res, 2003, 63(12):8821-8826.
- [12] Yonemura Y, Endo Y, Fujita H, et al. Role of vascular endothelial growth factor-C expressin in the development of lymph node metastasis in gastric cancer[J]. Clin Cancer Res, 1999, 5(7): 1823-1829.
- [13] Eggert A, Ikegakin N, Kwiat KJ. High-level expression of angiogenic factors is associated with advanced tumor stage in human neuroblastomas [J]. Clin Cancer Res, 2000,6(14):1900-1908.
- [14] Ueda M, Terai Y, Yamashita Y. Correlation between vascular endothelial growth factor-C expression and invasion phenotype in cervical carcinomas[J]. Int J Cancer, 2002, 98(5):335-343.
- [15] O'Connell JB, Maggard MA, Ko CY. Colon cancer survival rates with the new American Joint Committee on Cancer sixth edition staging [J]. J Natl Cancer Inst, 2004, 54 (3):295-308.

(收稿日期:2012-03-09 修回日期:2012-05-17)

(上接第 3163 页)

regulators[J]. Nat Med, 2004, 10(2):175-186.

- [6] Shen XD, Shen Z, Zheng SE, et al. Expression of Ezrin correlates with lung metastasis in Chinese patients with osteosarcoma[J]. Clin Invest, 2009, 32(12): 2007-2012.
- [7] Zhang Y, Hu MY, Wu WZ, et al. The membrane-cytoskeleton organizer Ezrin is necessary for hepatocellular carcinoma cell growth and invasiveness[J]. J Cancer Res Clin Oncol, 2006, 132(11):685-698.
- [8] Panta H, Sherman L, Peter A, et al. CD44: From adhesion molecules to signaling regulators[J]. Nature Rev Mol Cell Biol, 2003, 10(1): 33-45.
- [9] 王翠芳,欧阳振,马延超,等. 骨肉瘤组织中 COX-mRNA、CD44 mRNA 和蛋白表达及其两者相关性[J]. 中华实验外科杂志,2008,25(8):1088-1089.
- [10] 水若鸿,陆洪芳,李雄增,等. T 细胞淋巴瘤 1 和 CD44 蛋白在 Burkitt 淋巴瘤中的表达及其诊断价值[J]. 中华病

理学杂志,2009,38(11):745-748.

- [11] Bonilha VL, Rayborn ME, Saotome I, et al. Microvilli defects in retinas of Ezrin knockout mice[J]. Exp Eye Res, 2006,82(4):720-729.
- [12] Chai LX, Sun KL, Guo LP, et al. Expression of Ezrin and CD4v6 in human esophageal squarnous cell carcinoma and its clinical significance[J]. Zhonghua Zhongliu Zazi, 2007, 29(9):685-688.
- [13] Liu AM, Xu MZ, Chen J, et al. Targeting YAP and Hippo signaling pathway in liver cancer [J]. Expert Opinion on Therapeutic Targets, 2010, 14(8):855-868.
- [14] Mi Z, Guo H, Markovic J, et al. Characterization of osteopontin binding kinetics in MDA-MB231 breast and SK-Hep-1 liver cancer cells[J]. J Cancer Sci Ther, 2009, 1 (1):47-51.