

· 临床研究 ·

CRP 水平及基因多态性和急性心肌梗死发病风险的关系*

杨海涛¹, 何国平^{1△}, 戚传平², 许联红², 钱亿超¹

(江苏大学附属武进医院:1. 心血管内科;2. 中心实验室, 江苏常州 213002)

摘要:目的 探讨中国苏南地区汉族人群血清 C-反应蛋白(CRP)水平、CRP 基因 C+1444T 多态性与急性心肌梗死(AMI)的相关性。方法 采用聚合酶链反应-限制性片段长度多态性技术检测了 227 例 AMI 患者(AMI 组)和 161 例非冠心病者(对照组)的 CRP 基因 C+1444T 多态性,并应用酶联免疫吸附试验测定血清 CRP 水平。结果 AMI 组 CRP 基因 C+1444T 型分布频率为 CC 82.38%、CT 17.62%、TT 0%;对照组分别为 CC 86.96%、CT 13.04%、TT 0%,两组基因型分布频率之间差异无统计学意义($P>0.05$)。AMI 组血清 CRP 水平显著高于对照组,差异有统计学意义($P<0.01$)。不同基因型之间的血清 CRP 水平比较差异均无统计学意义($P>0.05$)。结论 中国苏南地区汉族人群的 CRP 基因 C+1444T 多态性不增加 AMI 的易感性,并且不影响其血清 CRP 水平。

关键词:心肌梗死;C-反应蛋白质;多态性,单核苷酸

doi:10.3969/j.issn.1671-8348.2013.27.006

文献标识码:A

文章编号:1671-8348(2013)27-3222-03

The relevance among serum CRP level, CRP gene C+1444T polymorphism and the risk with acute myocardial infarction*

Yang Haitao¹, He Guoping^{1△}, Qi Chuanping², Xu Lianhong², Qian Yichao¹

(1. Department of Cardiology; 2. Central Laboratory, Affiliated Wujin Hospital of Jiangsu University, Changzhou, Jiangsu 213002, China)

Abstract: Objective To investigate the relationship between serum C-reactive protein(CRP) level, CRP gene C+1444T polymorphism and the risk with Acute myocardial infarction(AMI) in Chinese Han population in Sunan region. **Methods** The CRP gene C+1444T polymorphism was genotyped by Polymerase reaction restriction-fragment length polymorphism(PCR-RFLP) and the serum CRP level was measured by enzyme linked immunosorbent assay(ELISA) between 227 patients with AMI(AMI group) and 161 control subjects. **Results** No differences were found in genotype distribution between AMI group and controls(CC 82.38%, CT 17.62%, TT 0% vs 86.96%, 13.04%, 0%) ($P>0.05$). The serum CRP level in AMI group was significantly higher than controls ($P<0.01$). There was no differences in the serum level between any genotypes of the CRP gene C+1444T ($P<0.05$). **Conclusion** The CRP gene C+1444T polymorphism is not associate with increased risk of AMI, and it have no effect with the serum level in Chinese Han population in Sunan region.

Key words: myocardial infarction; C-reactive protein; polymorphism, single nucleotide

血清 C-反应蛋白(C-reactive protein, CRP)不仅是急性炎症反应蛋白,而且与很多疾病的发病有着密切关系^[1]。近年来,有报道表明,遗传因素影响血清 CRP 水平,本文就血清 CRP 水平与急性心肌梗死(acute myocardial infarction, AMI)发病风险和 CRP 基因 C+1444T 多态性的相关性进行探讨,报道如下。

1 资料与方法

1.1 一般资料 将 2009~2010 年江苏大学附属武进医院心内科住院患者 328 例,分为 AMI 组和对照组。AMI 组:AMI 患者 227 例,男 167 例,女 60 例,年龄 31~99 岁,平均(63.76±11.65)岁,均符合 2002 年美国心脏病学会(AHA/ACC)关于 AMI 的诊断标准;对照组:经冠状动脉造影检查证实冠状动脉无狭窄者 161 例,男 80 例,女 81 例,年龄 29~84 岁,平均(57.68±10.01)岁。所有入选者均为中国苏南地区汉族人群,均排除严重肝、肾功能不全、肿瘤、风湿类疾病和急性或严重慢性感染者。该研究经本院医学伦理委员会批准,并征得所有人

选对象知情同意。

1.2 方法

1.2.1 CRP 基因 C+1444T 多态性检测 检测方法参照本中心既往研究^[1]。

1.2.2 血清 CRP 水平检测 采集研究对象空腹静脉血 5 mL,室温下静置 0.5~1 h,离心后留取上层血清, -70 °C 冰箱保存待测。采用酶联免疫吸附试验测定血清中 CRP 的含量。

1.3 统计学处理 采用 SPSS17.0 软件进行统计分析。正态分布计量资料用 $\bar{x}\pm s$ 表示,采用 t 检验;偏态分布资料用中位数/四分位数间距(M/IQR)表示,采用 Wilcoxon 秩和检验;基因型频率与 Hardy-Weinberg 平衡的符合程度和分类变量比较采用 χ^2 检验;CRP 基因 C+1444T 多态性和血清 CRP 水平与 AMI 发病风险的相关性均采用 Logistic 回归分析,以 $P<0.05$ 为差异有统计学意义。

2 结果

2.1 临床一般特征比较 与对照组相比,AMI 组年龄较大,

* 基金项目:常州市科技计划项目[常科发(2009)90 号]。 作者简介:杨海涛(1983~),住院医师,硕士,主要从事心血管内科工作。

△ 通讯作者, Tel:13912306027; E-mail: guopinghe6@sina.com.

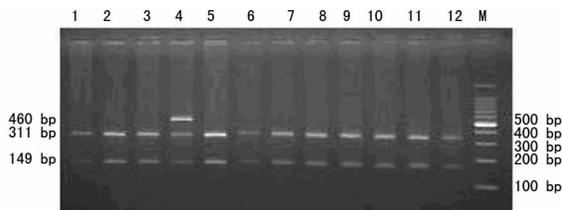
男性、吸烟者、高血压者和糖尿病患者所占比例较高,血清总胆固醇(TC)和低密度脂蛋白胆固醇(LDL-C)水平较高(表 1)。

2.2 CRP 基因 C+1444T 基因型鉴定 PCR 扩增产物为 460 bp 的特异性片段。酶切后,理论上应显示 3 种基因型:CC 纯合型(311 bp 和 149 bp)、CT 杂合型(460 bp、311 bp 和 149 bp)和 TT 纯合型(460 bp),但本研究人群未发现 TT 纯合型(图 1)。

表 1 两组患者临床一般特征比较

项目	对照组(n=161)	AMI 组(n=227)
年龄($\bar{x}\pm s$,岁)	57.68±10.01	63.76±11.65*
男[n(%)]	80(49.69)	167(73.57)*
吸烟史[n(%)]	17(10.56)	64(28.19)*
高血压史[n(%)]	56(34.78)	105(46.26)†
糖尿病史[n(%)]	8(4.97)	46(20.26)*
TC($\bar{x}\pm s$,mmol/L)	4.06±1.59	4.37±1.28†
TG($\bar{x}\pm s$,mmol/L)	1.59±1.12	1.55±1.22
HDL-C($\bar{x}\pm s$,mmol/L)	1.05±0.47	1.10±0.35
LDL-C($\bar{x}\pm s$,mmol/L)	2.35±0.96	2.67±0.95*

*:P<0.01,†:P<0.05,与对照组比较。



4:CT 杂合型,其余为 CC 纯合型;M:标志物。

图 1 CRP 基因 C+1444T 多态性 PCR 产物酶切电泳图

2.3 CRP 基因 C+1444T 多态性分布及其与 AMI 发病风险的相关性 本研究人群经 χ^2 检验符合 Hardy-Weinberg 遗传平衡规律($P>0.05$),具有群体代表性。CRP 基因 C+1444T 的 CC、CT 和 TT 基因型频率在 AMI 组中分别为 82.38%、17.62%和 0%,在对照组中分别为 86.96%、13.04%和 0%;C 和 T 等位基因频率在 AMI 组中分别为 91.19%和 8.81%,在对照组中分别为 93.48%和 6.52%;两组间基因型和等位基因频率分布差异均无统计学意义。多因素 Logistic 回归分析显示,CRP 基因 C+1444T 多态性与 AMI 的发病风险无显著相关性(表 2)。

表 2 CRP 基因 C+1444T 多态性分布及其与 AMI 发病风险的关系[n(%)]

CRP 基因	AMI 组(n=227)	对照组(n=161)
基因型 CC	187(82.38)	140(86.96)
CT	40(17.62)	21(13.04)
等位基因 C	414(91.19)	301(93.48)
T	40(8.81)	21(6.52)

2.4 血清 CRP 水平(M/IQR)及其与 AMI 发病风险的相关性

AMI 组的血清 CRP 水平显著高于对照组(5.974/6.256 $\mu\text{g}/\text{mL}$ vs. 3.271/1.292 $\mu\text{g}/\text{mL}$),差异有统计学意义($P<0.01$)。

且以年龄、性别、吸烟史、高血压史、糖尿病史、TC、三酰甘油(TG)、高密度脂蛋白(HDL-C)和 LDL-C 为自变量的 Logistic 回归分析显示,CRP 水平升高与 AMI 的发病密切相关(OR 1.955,95% CI 1.169~3.270, $P<0.01$)。

2.5 CRP 基因 C+1444T 多态性与血清 CRP 水平(M/IQR)的关系 AMI 组和对照组的 CRP 基因 C+1444T 位点 CC 和 CT 基因型之间血清 CRP 水平差异均无统计学意义,经 Logistic 回归分析显示,两组的血清 CRP 水平与 CRP 基因 C+1444T 多态性均无显著相关性(表 3)。

表 3 CRP 基因 C+1444T 位点 CC 和 CT 基因型之间血清 CRP 水平比较(M/IQR, $\mu\text{g}/\text{mL}$)

组别	基因型	n	血清 CRP
AMI 组(n=227)	CC	187	5.774/6.205
	CT	40	7.291/5.909
对照组(n=161)	CC	140	3.284/1.244
	CT	21	3.226/1.923

3 讨论

炎症被认为有助于增加心血管疾病的风险,而 CRP 是天然免疫系统中的重要组成部分,在炎症或组织损伤发生后急剧升高,可达到平时的 100~1 000 倍,它在机体的天然免疫过程中发挥重要的保护作用,被视为炎症标志物。

近年来,CRP 基因多态性与冠心病的关系越来越多地受到研究人员的重视。Miller 等^[2]以美国人为研究对象,发现 CRP 基因 C+1444T 多态性与心肌梗死或缺血性事件无相关性。Wang 等^[3]的结论与上述一致。本研究人群未检出 TT 纯合子,这与 PUBMED SNP 数据库公布的北京、日本和非洲健康人群数据以及国内报道^[4-5]结果相符合;且未发现 CRP 基因 C+1444T 多态性与 AMI 的发病风险有显著相关性,与国外研究结论一致。

有研究表明,在急性冠脉综合征(acute coronary syndrome,ACS)尤其是新发病的患者中,血清 CRP 水平显著增高^[6]。本研究进一步验证了上述结论,即 AMI 患者血清 CRP 水平显著高于无冠状动脉狭窄的非冠状动脉性心脏病(CAD)者,多因素分析显示 CRP 水平升高与 AMI 的发病密切相关。

那么,CRP 基因 C+1444T 多态性与血清 CRP 水平是否存在相关性呢?有研究表明,遗传因素对血清 CRP 水平所起的作用可达 35%~40%^[7]。+1444C>T 与 -286C>T>A 存在强的连锁不平衡^[2],而 -286C>T>A 位于启动序列,为功能性多态性位点,通过转录机制可影响血清 CRP 水平,因此推测,血清 CRP 水平也可能受 +1444C>T 基因多态性的影响,从而参与 AMI 的发展。但是,目前国内外相关报道结论不尽一致。国外的研究中,Shakhnovich 等^[8]通过对俄罗斯 232 例 AMI 患者与 159 例健康人的研究证实 CRP 基因 C+1444T 多态性 TT 纯合子比 C 等位基因携带的血清 CRP 水平高。而对 2 个前瞻性队列研究的美国女性(护士健康研究)和男性(卫生保健人员健康随访研究)^[9]以及欧洲 6 个城市的 1 003 例 AMI 患者^[10]的研究结论未发现 CRP 基因 C+1444T 多态性和血清 CRP 水平有相关性。国内朱名安等^[11]对 250 例健康体检者研究发现,C+1444T 位点 TT、CT、CC 3 种基因型携带者血清 CRP 水平存在明显差异,以 TT 型携带者血清 CRP 水

平最高。而 Yan 等^[12] 在中国汉族人群 128 例冠心病患者和 119 例健康人中均未检测出 C+1444T 位点 TT 型,且发现 CC 携带者的血清水平较高。本研究发现,AMI 组与对照组的 CRP 基因 C+1444T 位点 CC 和 CT 基因型之间血清 CRP 水平差异均无统计学意义,表明该研究人群 AMI 患者和无冠脉狭窄的非 CAD 者血清 CRP 水平均不受 CRP 基因 C+1444T 多态性的影响。鉴于目前相关研究结论的不同,本中心将继续扩大样本量,结合多地区人群做进一步研究。

参考文献:

- [1] 何国平,戚猛,高磊,等. CRP 基因 C+1444T 多态性与中国苏皖地区汉族人群 ACS 的易感性无关[J]. 南京医科大学学报,2011,31(4):522-525.
- [2] Miller DT, Zee RY, Suk Danik J, et al. Association of common CRP gene variants with CRP levels and cardiovascular events[J]. *Ann Hum Genet*, 2005, 69(6):623-638.
- [3] Wang Q, Hunt SC, Xu Q, et al. Association study of CRP gene polymorphisms with serum CRP level and cardiovascular risk in the NHLBI family heart study[J]. *Am J Physiol Heart Circ Physiol*, 2006, 291(6):2752-2757.
- [4] 赵磊,周新,郑芳,等. 冠心病患者 C 反应蛋白 C+1444T 基因多态性的研究[J]. 中国老年学杂志,2005,25(6):637-640.
- [5] 刘志忠,吕虹,方芳,等. C 反应蛋白基因 C+1444T 多态性与缺血性脑卒中的相关分析[J]. 中国实验诊断学,2009,13(5):609-612.
- [6] Suk DJ, Chasman DI, Cannon CP, et al. Influence of genet-

ic variation in the C-reactive protein gene on the inflammatory response during and after acute coronary ischemia [J]. *Ann Hum Genet*, 2006, 70(6):705-716.

- [7] Pankow JS, Folsom AR, Cushman M, et al. Familial and genetic determinants of systemic markers of inflammation: the NHLBI family heart study[J]. *Atherosclerosis*, 2001, 154(3):681-689.
- [8] Shakhnovich PM, Sukhinina TS, Barsova RM, et al. Polymorphism C+1444T of C-reactive protein gene and C-reactive protein concentration in blood serum of healthy people and patients with myocardial infarction[J]. *Kardiologia*, 2010, 50(8):4-12.
- [9] Pai JK, Mukamal KJ, Rexrode KM, et al. C-reactive protein(CRP) gene polymorphisms, CRP levels, and risk of incident coronary heart disease in two nested case-control studies[J]. *PLoS One*, 2008, 3(1):1395.
- [10] Kolz M, Koenig W, Müller M, et al. DNA variants, plasma levels and variability of C-reactive protein in myocardial infarction survivors: results from the AIRGENE study [J]. *Eur Heart J*, 2008, 29(10):1250-1258.
- [11] 朱名安,周有利,吕军,等. C 反应蛋白基因多态性 1444C >T 与血清 CRP 水平的相关性分析[J]. 郟阳医学院学报,2007,26(1):13-15.
- [12] Yan M, Zhao L, Zheng F, et al. The relationship between gene polymorphism and CRP level in a Chinese Han population[J]. *Biochem Genet*, 2007, 45(1/2):1-9.

(收稿日期:2013-05-15 修回日期:2013-05-27)

(上接第 3221 页)

- Assessing the quality of reports of randomized clinical trials: is blinding necessary[J]. *Controlled Clinical Trials*, 1996, 17(1):1-12.
- [5] 何本军. 鼓室内注射曲安奈德和盐酸氨溴索治疗分泌性中耳炎的疗效观察[J]. 海峡药学, 2012, 24(5):118-119.
 - [6] 俞飒. 不同方法治疗分泌性中耳炎的疗效比较[J]. 中国眼耳鼻喉科杂志, 2011, 11(3):153-155.
 - [7] 王殿杰. 盐酸氨溴索联合曲安奈德治疗分泌性中耳炎 46 例疗效观察[J]. 中国实用医药, 2012, 7(13):173-174.
 - [8] 周宣岩,陶谦,张峰,等. 鼓室注射曲安奈德和盐酸氨溴索治疗分泌性中耳炎疗效分析[J]. 听力学及言语疾病杂志, 2009, 17(4):380-381.
 - [9] 童明才. 不同方法治疗成人分泌性中耳炎疗效对比分析[J]. 中国现代医药杂志, 2012, 14(11):32-34.
 - [10] Keereweer S, Metselaar RM, Dammers R, et al. Chronic serous otitis media as a manifestation of temporal meningioma[J]. *ORL J Otorhinolaryngol Relat Spec*, 2011, 73(5):287-290.

- [11] 李西平,戴海江. 分泌性中耳炎的治疗现状与思考[J]. 中国耳鼻咽喉头颈外科, 2007, 14(8):467-469.
- [12] Eun JS, Sung HK, Hun YP, et al. Activation of epithelial sodium channel in human middle ear epithelial cells by dexamethasone[J]. *Eur J Pharmacol*, 2009, 602(2/3):383-387.
- [13] Lino Y, Nagamine H, Kakizaki K, et al. Effectiveness of instillation of triamcinolone acetonide into the middle ear for eosinophilic otitis media associated with bronchial asthma[J]. *Ann Allergy Asthma Immunol*, 2006, 97(6):761-766.
- [14] Sekiyama K, Otori J, Matsune S, et al. The role of vascular endothelial growth factor in pediatric otitis media with effusion[J]. *Auris Nasus Larynx*, 2011, 38(3):319-324.
- [15] 何水安. 鼓膜置管和穿刺治疗儿童分泌性中耳炎的疗效观察[J]. 中国眼耳鼻喉科杂志, 2008, 8(2):121.

(收稿日期:2013-01-08 修回日期:2013-03-22)